



15/18

FIG. 7A

8con.s = séquence clone pGEM-7/8  
pcveco = séquence souche PCV PK/15

SCORES      Init1: 2517 Initn: 3774 Opt: 4010  
75.8% identity in 1785 bp overlap

1769      1759      1749      1739      1729      1719  
8con.s GAATTCTGGCCCTGCTCCCCATCACCCAGGGTATAGGGAGTGGGCTCCACTGCTGTT  
pcveco GAATTTACCCAGAGACCCATCACCTCTAAATCAAAGAGGTGTTGGTCCACTGTTGTT

10      20      30      40      50      60

1709      1699      1689      1679      1669      1659  
8con.s ATTCTAGATGATAACTTGTAAACAAAGGCCACAGGCCCTAACCTATGACCCATATGTAAAC  
pcveco ATCTGGATGCCAACCTTGTAAACCCCTCCACCAACTGGCTATGACCCCTATATTAAC

70      80      90      100      110      120

1649      1639      1629      1619      1609      1599  
8con.s TACTCCTCCGCCATACAATCCCCAACCCCTCTCCTACCACTCCCGTTACTTCACACCC  
pcveco TACTCCTCCGCCACACCATAAGGCAGGCCCTTACCTACCACTCCAGGTACTTCACCC

130      140      150      160      170      180

1589      1579      1569      1559      1549      1539  
8con.s AAACCTGTTCTGACTCCACTATTGATTACTTCCAACCAAATAACAAAAGGAATCAGCTT  
pcveco AAACCTGAGCTGGACCAAACAATTGATTGGTCCACCCAAATAATAAAAGAAACCAGCTG

190      200      210      220      230      240

1529      1519      1509      1499      1489      1479  
8con.s TGGCTGAGGCTACAAACCTCTAGAAATGTGGACCACTGAGGCTCGGCACTGCGTTGAA  
pcveco TGGCTCCATTAAATACCCACACCAATGTCGAGCACACAGGCCTCGGCTATGCGCTCAA

250      260      270      280      290      300

1469      1459      1449      1439      1429      1419  
8con.s AACAGTATATAC-GACCAGGACTACAATATCCGTGTAAACCATGTATGTACAATTCAAGAGA  
pcveco AA-TGCAGCCACAGCCAAAATTATGTGGTAAGGCTGACTATTATGTACAATTCAAGAGA

310      320      330      340      350

1409      1399      1389      1379      1369      1359  
8con.s ATTTAATCTTAAAGACCCCCACTTAAACCTAAATGAATAATAAAAACCATTACGAAGT  
pcveco ATTTATCCTAAAGACCCCTC---TAAAT-AAAAATAAAAACCATTACGATGT

360      370      380      390      400      410

1349      1339      1329      1319      1309      1299  
8con.s GAT---AAAAAGACTCAGTAATTATTCATATGGAAATTCAAGGGCATGGGGGGAAAG  
pcveco GATAACAAAAAGACTCAGTAATTATTTATATGGAAAAGGGCACAGGGTGGTCCAC

420      430      440      450      460      470